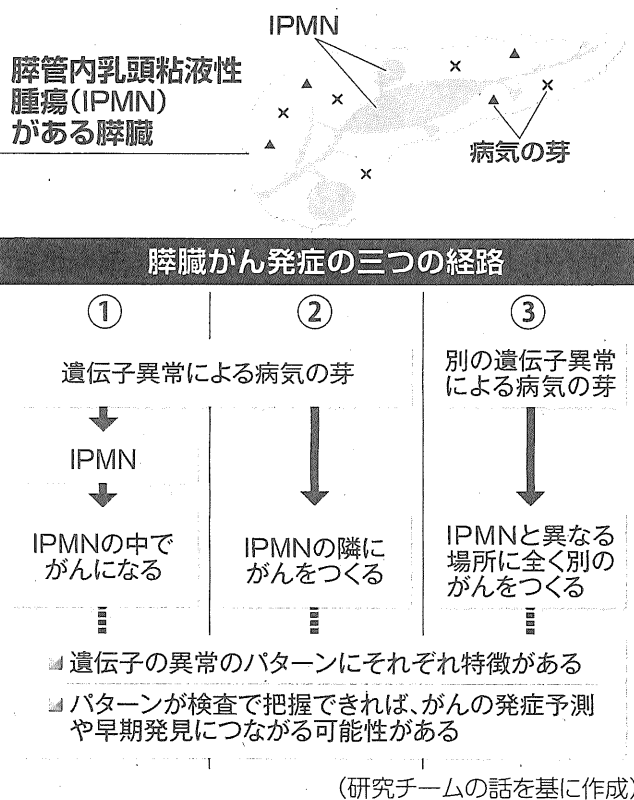


膵臓がんの発症経路解明

膵臓がんの危険因子の一つ



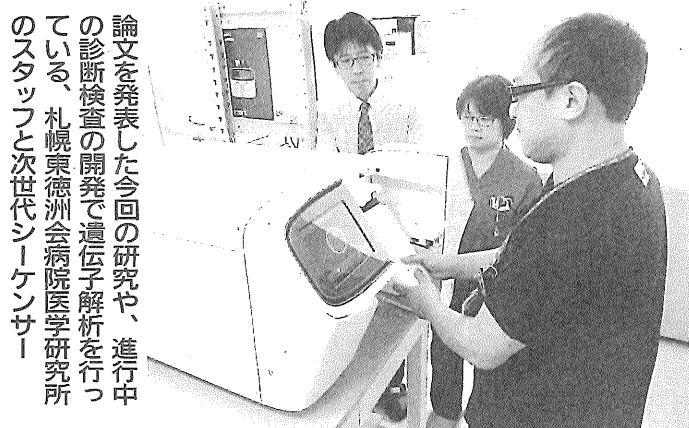
水上裕輔
旭医大准教授

研究論文が、米国消化器病学会の機関誌2月号で発表されました。研究チームによると、膵臓がんは、

がんを防ごう

旭川医科大学、札幌東徳洲会病院、手稲漢仁会病院、北大などをつくる研究チームが、膵臓がん患者の遺伝子を解析し、膵臓がん発症に至る経路が三つあり、経路によってがん発症の原因となった遺伝子の異常のパターンに特徴があることを解明しました。膵臓がんは、膵臓がんになる危険因子の一つ。今後、遺伝子検査で異常のパターンが把握できるようなになれば、がんの発症予測や早期発見につながる

旭医大など 遺伝子異常のパターンに違い



論文を発表した今回の研究や、進行中の診断検査の開発で遺伝子解析を行っている、札幌東徳洲会病院医学研究所のスタッフと次世代シーケンサー

早期発見へ診断法も研究

体への負担少なく

今回の研究成果を見据え、長があります。計画では、た形で、旭医大と道内の5病院が昨年4月から、膵臓がんやIPMNの患者の血液、膵液、十二指腸液の中に流れ出た膵臓の細胞の遺伝子のかから、遺伝子の異常を調べる診断検査の開発を既に始めています。体液診断(リキッドバイオプシー)という検査法で、体液の採取は患者の体に負担が比較的小さいという特

特に、膵臓がんのおよそ半数に当たる「膵管内乳頭粘液性腫瘍(IPMN)」の患者は、1年間で100人に1人という高率で膵臓がんを発症し、膵臓がん全体の1割がそれ以上を占めます。このため、IPMNの患者は慎重な経過観察が必要だとされています。

研究チームは今回、IPMNをもつ膵臓がん患者30人の手術で切除した組織から、顕微鏡でがんや病気の

芽の分布や、遺伝子を高速で読み取った「次世代シーケンサー」で18種の遺伝子の異常を調べました。研究で分かった膵臓がん発症に至る経路は次の三つ(図)。

① 遺伝子の異常で起きた目には見えない病気の芽がIPMNとなり、さらにIPMNの中でがんになる

② ①の芽の一部が枝分かれして、IPMNの隣にがんをつくる

③ ①とは異なる遺伝子の異常でできた病気の芽が、IPMNとは異なる場所で全く別のがんをつくる

一方、同じ患者30人の組織に潜む小さな病気の芽の遺伝子解析では、経路①のがんは、ほぼ全員がKRASという遺伝子に、8割はGNASという遺伝子に異常がありました。これに対し、経路②③のがんは、9割にKRASに異常があり、しかも①よりもKRASのさまざまな部

分に複数の異常がみられました。またGNASの異常は2割程度と少なかった。経路によって遺伝子の異常のパターンに違いが見られました。

研究チームを統括した水上裕輔・旭医大准教授(消化器内科)は「札幌東徳洲会病院医学研究所がん研究部門部長」は「膵臓がん患者のKRASとGNASの二つの遺伝子異常の種類と割合を調べることで、患者がどの道筋をたどるか予測が可能になる」と話します。

研究チームの一員、田中伸哉(旭医大大学院医学研究科教授)は「膵臓がんは、病理解行が行っているがんの形態診断と、新しいゲノム医療によるがんの遺伝子診断とを組み合わせ、統合診断へ向かう研究成果だ。多施設で取り組んだ意義も大きい。今後、膵臓がんの診断や治療に大きな進歩が期待できる」と語りました。

健康